

## INHIBÍTORY ENZÝMU KONVERTUJÚCEHO ANGIOTENZÍN

ŠRAMKO M., REMKO M.

Univerzita Komenského v Bratislave, Farmaceutická fakulta, Katedra farmaceutickej chémie, Slovenská republika

### SÚHRN

#### **Inhibítory enzýmu konvertujúceho angiotenzín**

Enzým konvertujúci angiotenzín (ACE) je zinková metalopeptidáza, ktorá svojou proteolytickou aktivitou má dôležitú úlohu v regulácii niektorých významných vazoaktívnych peptidov. Účinné inhibítory ACE boli až doneďdávna projektované bez znalosti priestorovej (3D) štruktúry tohto enzýmu. V klinickej praxi je viac ako 15 dostupných účinných inhibitorov ACE, pričom všetky nešpecificky inhibujú obidve aktívne domény enzýmu. Vazopeptidázové inhibítory sú duálne inhibítory ACE a neutrálnej endopeptidázy (NEP). Súčasne inhibujú katalytickú funkciu dvoch enzýmov a v súčasnosti sú predmetom klinických skúšok, ktoré poukazujú na ich lepšiu účinnosť v liečbe hypertenze a kardiovaskulárnych ochorení, ale zároveň vyššie riziko vedľajších nežiadúcich účinkov v porovnaní s inhibítormi ACE.

Klúčové slová: inhibítory angiotenzín konvertujúceho enzýmu – RAAS – neutrálna endopeptidáza – vazopeptidázové inhibítory

**Čes. slov. Farm., 2006; 55, p. 160–167**

### SUMMARY

#### **Angiotensin Converting Enzyme Inhibitors**

Angiotensin converting enzyme (ACE) is a zinc metallopeptidase which plays a key role in the regulation of important vasoactive peptides through its proteolytic activity. Effective inhibitors of ACE were until recently designed in the absence of the solved 3D structure of this enzyme. About 15 ACE inhibitors are currently commercially available, all of which nonspecifically inhibit both active domains of ACE. Vasopeptidase inhibitors are mixed inhibitors of ACE and neutral endopeptidase (NEP). They contemporarily inhibit the catalytic function of two enzymes and currently are undergoing clinical trials exhibiting better efficacy in the treatment of hypertension and cardiovascular diseases, but in the same time higher risk of adverse side effects compared to ACE inhibitors.

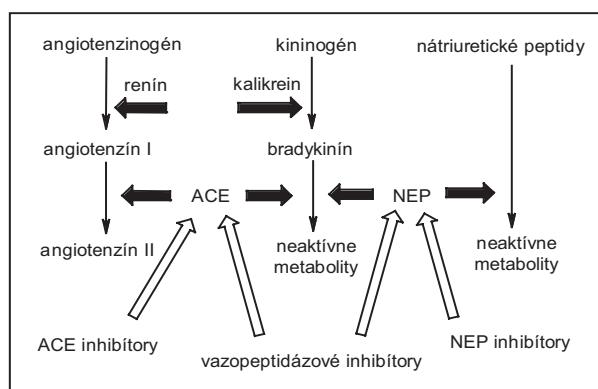
**Keywords:** angiotensin converting enzyme inhibitors – RAAS – neutral endopeptidase – vasopeptidase inhibitors

**Čes. slov. Farm., 2006; 55, p. 160–167**

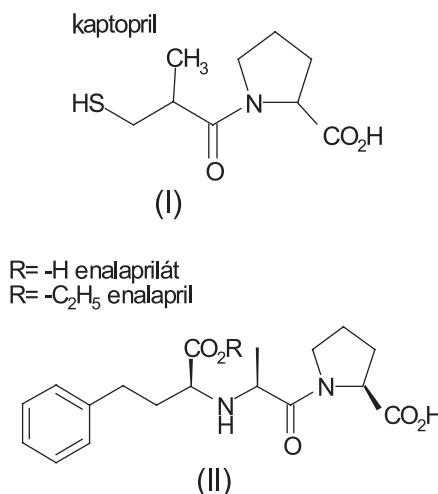
*Má*

Kardiovaskulárne ochorenia sú najčastejším dôvodom úmrtí vo vyspelých krajinách. Mnohé letálne kardiovaskulárne príhody sú dôsledkom práve neschopnosti znížiť krvný tlak u hypertenzných pacientov. Preto efektívna regulácia hypertenzie je stále dôležitou oblastou výskumu. Renín-angiotenzín-aldosterónový systém (RAAS) spolu s určitými metalopeptidázami má významnú úlohu v metabolizme klúčových peptidových hormónov pre moduláciu krvného tlaku. Enzým konvertujúci angiotenzín (ACE) a neutrálna endopeptidáza (NEP) sú zinkové metalopeptidázy. Obidve patria do skupiny enzýmov gluzincínov<sup>1, 2)</sup> a zdieľajú spoločné štrukturálne a funkčné vlastnosti (obr. 1). Obidve metabolizujú peptidy ako angiotenzín I a II (AI, AII)<sup>3)</sup>, bradykinín (BK) a atriálny

nátriureticí peptid (ANP)<sup>4, 5)</sup>, ktoré sú esenciálne pre arteriálny tlak a reguláciu vodno-elektrylovej homeostázy. Vývoj inhibitorov týchto gluzincínových enzýmov bol až doneďdávna založený na štúdiu vzťahov medzi štruktúrou a aktivitou, ktoré vychádzali z modelov aktívnych miest získaných zo štrukturálnych údajov o termolyzíne (TLN)<sup>6, 7)</sup>, prototypu gluzincínov, alebo z iných zinčinových peptidáz, akou je napríklad karboxypeptidáza A (CPA)<sup>8)</sup>. Priestorová štruktúra ACE<sup>9)</sup> a NEP<sup>10)</sup> sa na atómovej úrovni určila len nedávno. Okrem natívnych enzýmov sa vyriešila aj priestorová štruktúra niektorých komplexov s vybranými inhibítormi<sup>9, 11)</sup>. Táto skutočnosť poskytuje nové možnosti pre projektovanie a vývoj nových ACE inhibítordov.



Obr. 1. Schéma renínového-angiotenzínového-aldosterónového systému (RAAS) a možnosti jeho farmakologického ovplyvnenia



Tab. 1. Nomenklatúra vazoaktívnych peptidových substrátov zinkových metalopeptidáz zúčastňujúcich sa na regulácii krvného tlaku

AI	H <sub>2</sub> N-Asp-Arg-Val-Tyr-Ile-His-Pro-Phe-His-Leu-COOH
AII	H <sub>2</sub> N-Asp-Arg-Val-Tyr-Ile-His-Pro-Phe-COOH
A1-7	H <sub>2</sub> N-Asp-Arg-Val-Tyr-Ile-His-Pro-COOH
BK	H <sub>2</sub> N-Arg-Pro-Pro-Gly-Phe-Ser-Pro-Phe-Arg-COOH
ANP	H <sub>2</sub> N-Ser-Leu-Arg-Arg-Ser-Ser-Cys-Phe-Gly-Gly-Arg-Met-Asp-Arg-Ile-Gly-Ala-Gln-Ser-Gly-Leu-Gly-Cys-Asn-Ser-Phe-Arg-Tyr-COOH

Súčasná koncepcia inhibície ACE a NEP spočíva buď na blokovaní funkcie každého enzymu samostatne, alebo spoločnej inhibícii týchto dvoch enzymov jednou molekulou. Synchrónna inhibícia týchto peptídov jednou zlúčeninou spôsobuje vazodilatáciu, ktorá je spojená s redukciami tlaku a zvýšenou nátriuérou. Spoločný inhibitor je totiž schopný súčasne blokovať tvorbu AII a inaktiváciu BK a ANP. Podľa dlhodobých experimentálnych údajov by duálne ACE/NEP inhibitory mohli byť význam-

ným prínosom pri liečbe ťažkej hypertenze a chronického srdcového zlyhávania.

#### Enzým konvertujúci angiotenzín

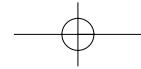
Enzým konvertujúci angiotenzín (ACE) je integrovaný membránový glykoproteín I typu (EC 3.4.15.1) a je dôležitým komponentom renínového-angiotenzínového-aldosterónového systému RAAS (obr. 1). ACE je metaloproteáza, ktorá vo svojom aktívnom mieste má dvojmočný kation Zn<sup>2+</sup>, ktorý stabilizuje substrát a prispeva k hladkému priebehu hydrolýzy peptidovej väzby.

#### Formy ACE

U ľudí rozoznávame dve rozdielne formy ACE: somatickú a testikulárnu. Somatická forma je zložená z 1306 aminokyselín a dvoch domén (N- a C-doména). Každá doména obsahuje aktívne miesto. Testikulárny ACE sa skladá zo 732 zvyškov a má jedno Zn<sup>2+</sup> kation obsahujúce katalytické miesto, ktoré je homogénne s C-doménou somatickej formy <sup>12, 13</sup>. Somatický ACE je ektoenzým, ktorý je lokalizovaný hlavne vo vaskulárnom endotele pľúc. V plazmatickej membráne je ukotvený svojím C-terminálnym koncom. Obidve Zn<sup>2+</sup> obsahujúce aktívne miesta somatickej izoformy sa nachádzajú v extracelulárnom priestore bunky <sup>14</sup>.

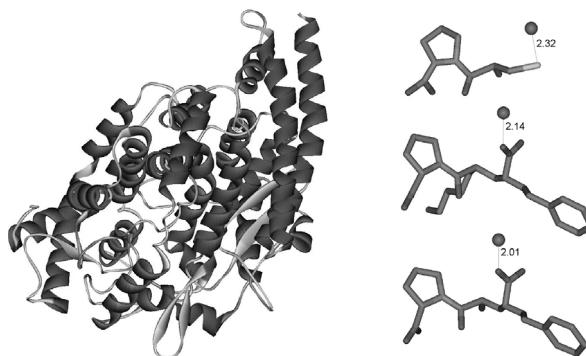
#### Funkcia enzymu

ACE metabolizuje viaceré peptidy, ktoré majú významnú úlohu v regulácii krvného tlaku včítane angiotenzínu I, angiotenzínu 1-7, BK (obr. 1) a hematopoetického regulačného faktoru – peptidu AcSDKP (N-acetyl-Ser-Asp-Lys-Pro) <sup>3, 15-17</sup>. ACE premieňa AI (tab. 1) odštiepením dipeptidu His-Leu z C-konca na oktapeptid AII. AII je jednou z najsilnejších známych vazokonstričných látok. Pôsobí hlavne na koronárne, renálne a cerebrálne cievky. Účinky AII sú rozsiahle: 1) Väzbou na AT-II receptory v cievnej stene priamo spôsobí vazokonstrikciu aktiváciou fosfatidyl-inozitolového systému bunky; 2) Väzbou na AT-II receptory na presynaptickej membráne terminálnych neurónov vyvolá zvýšené uvolňovanie noradrenálínu, ktorý má hlavne vazokonstričný účinok; 3) Potencuje tvorbu endotelínu v endotelových bunkách koronárneho riečišta; 4) Stimuluje proliferáciu hladkých svalových buniek ciev; 5) Zvyšuje influx Ca<sup>2+</sup> iónov do buniek a 6). Spôsobuje zvýšené uvoľňovanie aldosterónu z kôry nadobličiek. Aldosterón ako posledný člen RAAS reguluje hospodárenie organizmu s minerálnymi látkami. Aj keď bol AI pôvodne považovaný za hlavný substrát ACE, výskum v tejto oblasti ukázal, že ACE má vyššiu afinitu k vazodilatačnému nonapeptidu BK, s K<sub>m</sub>=18 M, zatiaľ čo relevantná afinita ACE k AI je približne K<sub>m</sub>=16 M (K<sub>m</sub> je Michaelisova-Mentenovej konštantou a je mierou enzymovo-substrátovej afinity) <sup>18</sup>. Nedávno sa zistilo, že ACE v ľudskej plazme a na úrovni endotelu je metaloproteázou, ktorá je v rozhodujúcej miere zodpovedná za proteolytickú degradáciu a peptidovú inaktiváciu BK.



### Štruktúra enzymu

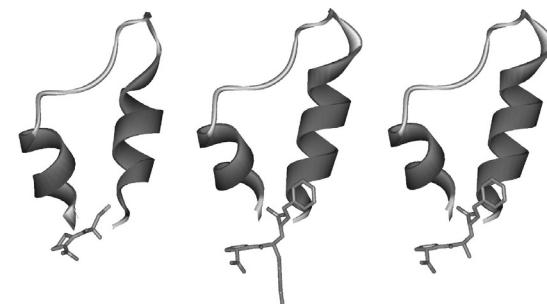
Racionálny vývoj ACE inhibítorgov bol až donedávna komplikovaný vzhľadom na to, že nebola dostupná priestorová štruktúra cieľového enzymu<sup>19-21</sup>. V roku 2002 sa podarilo pripraviť a analyzovať röntgenovou difrakciu kryštály testikulárneho ACE (tACE) a jeho komplexu s inhibítorm lizinoprilom (III) (obr. 2, 3). Neskôr bola vyriešená aj priestorová štruktúra komplexu ACE s kapto- prilom a enalaprilátom<sup>22</sup> (obr. 3). Táto skutočnosť bude mať zrejme podstatný vplyv na ďalší vývoj v skupine ACE inhibítorgov, keď bude možné naplno využiť metódy počítačovo podporovaného projektovania nových liečiv (dokovanie, mapovanie receptoru, koncept farmakofóru) pri dizajne selektívnejších a účinnejších ACE inhibítorgov<sup>19</sup>. Zistilo sa, že lizinopril a enalaprilát sa intenzívnejšie viažu na C-doménu somatického ACE, naproti tomu kaptopril má vyššiu afinitu voči N-doméne<sup>22</sup>. Yotakis et al. skríningom peptidových fosfínových knižníc identifikovali RXP 380, nový selektívny inhibítorm N-domény somatického ACE<sup>23</sup>.



Obr. 2. A) Röntgenová štruktúra ACE (pdb 1O86); B) vzdialenosť funkčných skupín inhibítorgov ACE (a-kaptopril, b-lizinopril, c-enalaprilát) a atómu zinku koordinačne viazaného v ACE

### ACE2

Nedávno sa zistilo, že aj homológ ACE, jednodoméno- vá zinková metalopeptidáza nazvaná ACE2, slúži ako ďalší regulátor renínového-angiotenzínového systému. ACE2 sa našla u hlodavcov aj u ľudí. V organizme sa nachádza hlavne v srdci a obličkách. Jedná sa o membránovo viazaný glykoproteín I typu s molekulovou hmotnosťou 120 kDa. Funguje ako karboxymonopeptidáza a uprednostňuje hydrofóbne alebo zásadité koncové karboxylové zvyšky<sup>24</sup>. Špecifita ACE2 sa líši od ACE, keďže jeho proteolytická aktivity nie je inhibovaná niektorými používanými ACE inhibítormi, ako sú kaptopril, fosinopril alebo enalaprilát<sup>25, 26</sup>. V roku 2004 sa podarilo určiť jeho 3D štruktúru röntgenovou difrakciou v pevnom stave<sup>27</sup>. ACE2 má úlohu pri regulácii funkcie srdca a takisto ako funkčný receptor pre koronavírus, ktorý spôsobuje ľahký akútne respiračné syndróm (SARS). ACE2 obsahuje dve domény, amino- a karboxy- terminálnu doménu, ale iba jedno  $Zn^{2+}$  katalytické miesto. Katalytické miesto sa



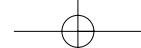
Obr. 3. Aktívna časť enzymu ACE s naviazaným príslušným inhibítorm (1UZF - kaptopril, 1O86 - lizinopril, 1UZE - enalapril)

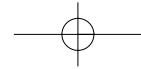
nachádza na N-koncovej doméne, ktorá má približne 42% identitu sekvenčí s N-katalytickej doménou ACE<sup>28</sup>. ACE2 inhibítory sú v súčasnosti predmetom intenzívneho výskumu v oblasti farmaceutickej chémie.

### Neutrálna endopeptidáza

NEP je typ II integrálna membránová zinková endopeptidáza (EC 3.4.24.11). NEP sa skladá z krátkej cytoplazmatickej N-koncovej domény, ktorú nasleduje jedna transmembránová závitnica a veľká extracelulárna C-terminálna doména, ktorá obsahuje aktívne miesto<sup>29, 30</sup>. Extracelulárna doména NEP obsahuje 12 zvyškov cysteínu, pričom všetky vytvárajú disulfidové mostíky<sup>10</sup>. NEP má dôležitú úlohu pri degradácii nátruireckých peptidov a degradácii kinínov<sup>31, 32</sup>. Z tohto dôvodu je veľký záujem o vývoj nových inhibítorgov NEP a ich prípadné využitie v klinickej praxi<sup>4</sup>. Rodina nátruireckých peptidov (NP) sa delí na tri skupiny peptidov: átríálny (ANP), mozgový (BNP) a C-typ (CNP). ANP sa produkuje v myokarde a je endogénnym inhibítorm RAAS (antagonista AII). Infúziou ANP sa znížuje tlak krvi a zároveň sa inhibuje reníno-vo-aldosterónová sekrécia<sup>33</sup>, zvyšuje sa objem moču, vylučovanie sodíka močom a hypotenziívny účinok BNP. Hladiny nátruireckých peptidov sú zvýšené u hypertenzívnych pacientov s ľavou komorovou hypertrofiou a skorým zlyhávaním srdca<sup>34</sup>. Tieto peptidy sú málo odolné voči proteolýze, vlastnosť, ktorá v spojení s ich vysokou cenou a problémami pri aplikácii, je hlavným nedostatkom pre ich využitie ako exogénnych terapeutík. Alternatívnu cestou zabránenia ich proteolýzy by bola inhibícia zinkovej metalopeptidázy NEP.

V poslednom desaťročí sa pripravilo niekoľko vysoko účinných NEP inhibítorgov. Tieto zlúčeniny sú schopné farmakologickej odozvy prostredníctvom zvýšenej hladiny opioidných alebo vazoaktívnych peptidov, čo sa môže využiť pri vývoji nových analgetík alebo antihypertenzív<sup>35, 36</sup>. Vývoj nových liečiv z tejto oblasti bude v budúcnosti nepochybne profitovať aj z vyriešenej priestorovej štruktúry komplexu NEP s fosforamidonom<sup>37</sup>.





### ACE inhibítory

Vývoj ACE inhibítorg (ACEI) začal pred vyše 30 rokmi bez znalosti priestorovej štruktúry ACE pionierskou prácou Ferreira a Ondettiho<sup>38)</sup>. Komerčne sú ACEI dostupné už viac ako 20 rokov a projektovali sa na základe homológie ACE s metalopeptidázami (CPA, TLN), ktorých priestorová štruktúra je známa. V súčasnosti sa ACEI používajú v terapii esenciálnej hypertenzie, post-infarktových stavov, mestnavého zlyhania srdca a diabetickej nefropatie.

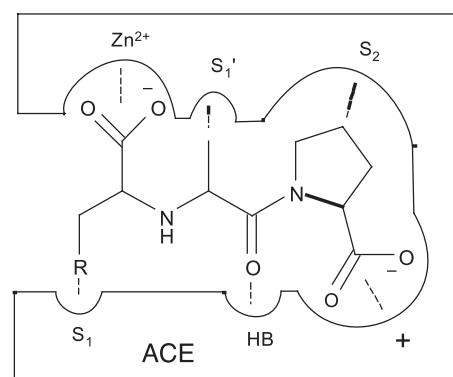
#### Mechanizmus účinku ACE inhibítorg

ACE inhibítory sú peptidomimetiká, ktoré účinkujú ako falošný nemetabolizovateľný substrát. Reverzibilnou kompetitívnou inhibíciou ACE sa zablokuje tvorba angiotenzínu II, a tým sa zabráni jeho silným vazokonstričným účinkom, čo má za následok pokles tlaku krvi. Následne sa zníži aj hladina aldosterónu. Naviac sa zabráni degradácii vazodilatačne pôsobiaceho BK, čo ešte viac zefektívne zníženie krvného tlaku. Približne u 5 % pacientov sa však, v dôsledku nahromadenia BK, vyskytuje najčastejší a najzávažnejší vedľajší účinok tejto skupiny liečiv – suchý kašel.

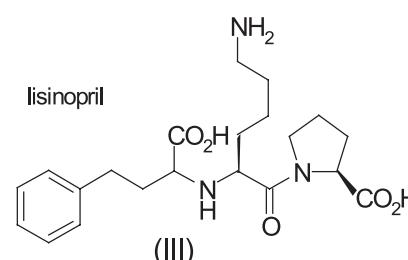
Prirodzeným substrátom pre ACE je angiotenzín I. Všetky ACE inhibítory kopírujú C-koncové zoskupenie aminokyselín angiotenzínu I Phe-His-Leu. Vo svojej molekule však neobsahujú ľahko hydrolyzovateľné peptidové väzby a namiesto karbonylovej skupiny sa koordinačná väzba s iónom Zn<sup>2+</sup> vytvára prostredníctvom inej funkčnej skupiny (karboxyl, tiol, α-tiol, fosforylová skupina).

Väčšina ACEI sú typické *prodrug* liečivá. To znamená, že v liekovej forme je neúčinný alebo málo účinný prekursor (*prodrug* forma), ktorý má výhodnejšie farmakokineticke vlastnosti. Ten sa v organizme metabolizuje na účinnú látku. Biologická aktivita ACE inhibítorg je spojená hlavne s ich vysokou väzbovou kapacitou voči katiónu zinku v aktívnom mieste enzýmu. Aj napriek nedávnym pokrokom v oblasti výskumu AII antagonistov, je vývoj ACE inhibítorgov stále aktuálny a môže priniesť nové selektívnejšie a vysoko účinné liečivá pre liečbu chorôb kardiovaskulárneho systému.

Kaptopril (I) je považovaný za prvý perorálne účinný ACEI, ktorý sa vyvinul metódami racionálneho projektovania liečiv<sup>28)</sup>. Proces racionálneho vývoja kaptoprilu spĺňal hlavne na: 1) štruktúrnych a funkčných rysoch karboxypeptidázy A, 2) inhibičnej účinnosti zmesi peptidov získanej z jedu brazilskeho hada *Bothrops jararaca*, známej ako potenciačný faktor bradykinínu a 3) skríningu rôznych chelátorov katiónov zinku Zn<sup>2+</sup>, z ktorých jedným z najúčinnejších boli zlúčeniny obsahujúce tiolovú skupinu<sup>39, 40)</sup>. Do klinickej praxe zavedený kaptopril obsahuje tiolovú skupinu, ale má aj niektoré vedľajšie nežiaduce účinky (suchý kašel, strata chuti, dermatózy), ktoré sa písali práve tiolovej skupine. Preto bol vývoj ACEI orientovaný na štruktúry, v ktorých tiolová skupina bola nahradená karboxylovou skupinou. Vývoj súrie peptidových N-karboxylalkylových analógov kaptoprilu (so všeobecnu sekvenciou R-CHCO<sub>2</sub>H-R<sub>1</sub>-R<sub>2</sub>) s ďalšími skupinami, schopnými okupovať S<sub>1</sub> väzobný vačok ACE (obr. 4) vieď k identifikácii dvoch nových štruktúr s vhodnou inhi-



Obr. 4. Inhibítorg ACE v aktívnom mieste enzýmu

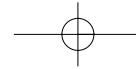


bičnou účinnosťou. Enalaprilát (II) (R<sub>1</sub>-R<sub>2</sub> = Ala-Pro) a lisinopril (III) (R<sub>1</sub>-R<sub>2</sub> = Lys-Pro) sú tripeptidové analógy s karboxylovou skupinou schopnou koordinačnej väzby s katiónom zinku ACE. Molekula typického ACE inhibítora obsahuje nasledujúce funkčné skupiny (obr. 4):

- C-koncovú karboxylovú časť, ktorá interaguje s pozitívnymi zvyškami aminokyselín Lys a Tyr v aktívnej časti enzýmu;
- kruhový systém s karboxylovou skupinou (napríklad L-prolín), ktorý efektívne okupuje hydrofóbny vačok S<sub>2</sub>;
- karbonylový kyslík, schopný vytvárať vodíkovú väzbu s väzbovým partnerom enzýmu (HB),
- štruktúrny motív, ktorý vyplňa väzbové vrecko S<sub>1'</sub>;
- funkčnú skupinu, ktorá je schopná interakcie s iónom zinku v aktívnej časti enzýmu;
- hydrofóbnu časť, ktorá je schopná vyplniť hydrofóbne vrecko S<sub>1</sub> aktívnej časti enzýmu.

V nasledujúcich rokoch sa uskutočnil výskum a vývoj nových inhibítorgov ACE vo viacerých farmaceutických spoločnostiach a do klinickej praxe boli postupne zavedené ďalšie účinné ACE inhibítory (IV–XIV). Nové ACE inhibítory vznikli štruktúrnymi obmenami klinicky využívaného liečiva (kaptopril) na základe analógie (prístup aktívneho analóga). Svetové farmaceutické spoločnosti do klinickej praxe zaviedli množstvo nových ACE inhibítorgov (tzv. „me-too“ zlúčeniny)<sup>41)</sup>.

Napriek spomenutým nežiadúcim účinkom kaptoprilu sa dnes používajú aj ďalšie tiolové ACEI ako napr. zofenopril (XV), ktorý okrem štandardných účinkov kaptoprilu má naviac aj priaznivú aktivitu voči oxidatívnemu stresu. Klinické skúšky naznačujú, že oxidatívny stres u pacientov s esenciálou hypertensiou sa znížuje chronickým užívaním tiolového ACEI zofenoprilu, ale nie karboxylovým ACEI enalaprilom<sup>42)</sup>. Za predpokladu eliminácie ich nežiadúcich účinkov<sup>11)</sup> môžu byť nové tiolové ACEI považova-



né za nádejné potenciálne liečivá so širokým spektrom priaznivých účinkov pri hypertenzii a kardiovaskulárnych ochoreniach.

### Rozdelenie ACE inhibítormov

Existuje viacero triedení ACE inhibítormov. ACE inhibítory možno rozdeliť podľa:

- *historického vývoja*

1. generácia ACE inhibítormov – kaptopril, enalapril,
2. generácia ACE inhibítormov – ramipril, trandolapril,
3. generácia ACE inhibítormov – fosinopril, ceranapril, duálne ACE/NEP inhibítory – omapatrilát, gemopatrilát, fasilotrilát.

- *chemickej podstaty*

- peptidové ACE inhibítory – tepravid, saralazin,
- nepeptidové ACE inhibítory – všetky ostatné.

- *potreby metabolizácie na aktívnu formu*

- non-prodrug ACE inhibítory - kaptopril, lisinopril, ceranapril,
- prodrug ACE inhibítory - enalapril, ramipril, cilazapril.

- *funkčnej skupiny interagujúcej so zinkovým katiónom aktívneho centra*

- ACE inhibítory obsahujúce tiolovú skupinu – kaptopril, zofenopril,
- ACE inhibítory obsahujúce karboxylovú skupinu – enalapril, spirapril, perindopril,
- ACEI obsahujúce fosforylovú skupinu – ceranapril, fosinopril, RXP 407,

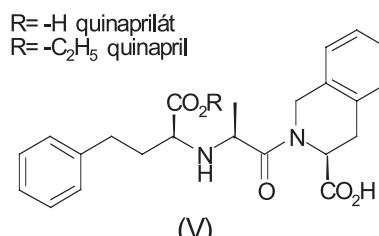
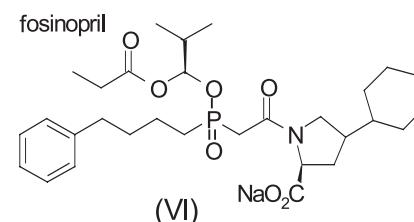
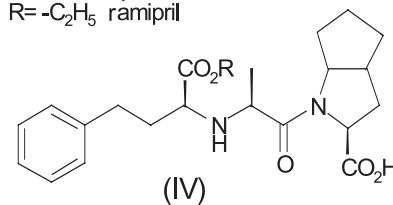
- ACE/NEP inhibítory obsahujúce  $\alpha$ -tiolovú skupinu – omapatrilát, gemopatrilát.

- *cesty vylučovania z organizmu*

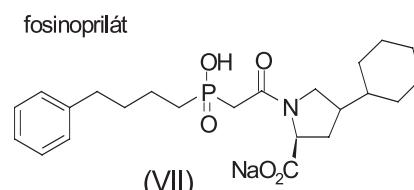
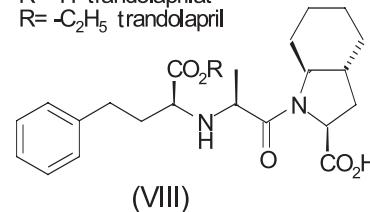
- ACE inhibítory vylučované obličkami - enalapril, kaptopril,
- ACE inhibítory vylučované pečeňou - spirapril, ceranapril, fosinopril.

Predpokladá sa, že premyslenou inhibičnou stratégou, pri ktorej by sa zamedzilo produkciu AII, zatiaľ čo by sa znížila, ale nie úplne odstránila hladina BK v plazme, by bolo možné čiastočne obísť problém vyskytujúcich sa vedľajších účinkov ACE inhibítormov. To znamená, že inhibovaný ACE by stratil svoju schopnosť tvorby AII, ale stále by bol schopný degradovať BK, aj keď v nižšom rozsahu. Vieme, že ACE obsahuje dve katalytické miesta, u ktorých malé rozdiely v sekvencii a štruktúre zavádzajú

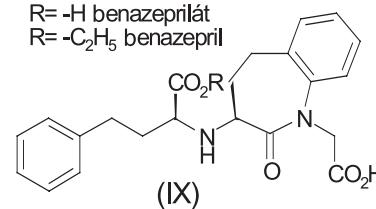
$R = -H$  ramiprilát  
 $R = -C_2H_5$  ramipril



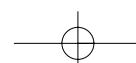
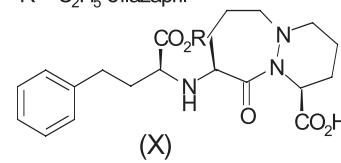
$R = -H$  trandolaprilát  
 $R = -C_2H_5$  trandolapril

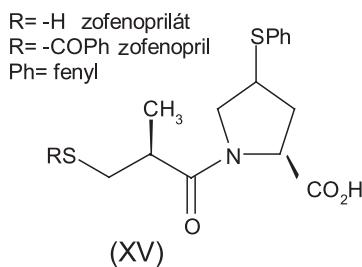
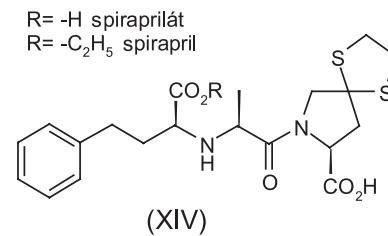
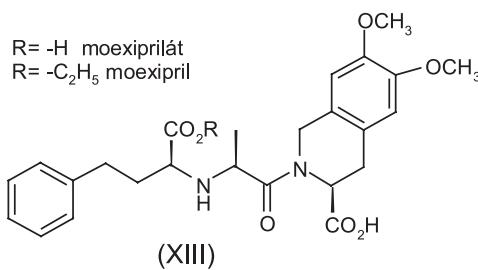
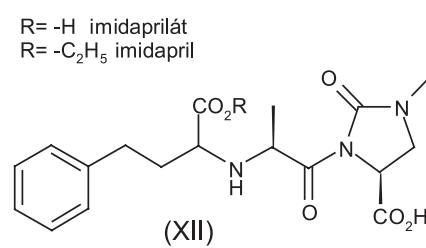
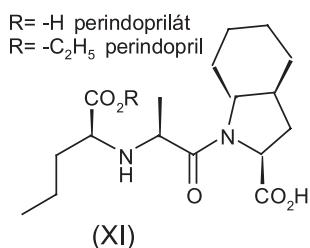


$R = -H$  benazeprilát  
 $R = -C_2H_5$  benazepril



$R = -H$  cilazaprilát  
 $R = -C_2H_5$  cilazapril





mierne odlišné funkcie. Zdá sa, že obe katalytické domény ACE rovnako katalyzujú degradáciu BK, naproti tomu C-doména je špecifickejšia pre tvorbu AII. V prípade, že by C-doména zastavila produkciu AII a N-doména by znížila hladinu BK, výsledkom by bol cirkulujúci BK v koncentráции, ktorá by bola nedostatočná na stimuláciu vedľajších účinkov. Aj preto je selektívna inhibícia C- a N- domény hlavnou výzvou viacerých vedných odborov ako chémie, biológia, farmakológia a medicíny, a predstavila by novú éru v procese dizajnu ACE inhibítordov. Nedávno určená röntgenová 3D štruktúra testikulárneho ACE a ACE2 objasnila atómovú úroveň interakcií medzi inhibitorom a aktívnym miestom enzymu. Získané informácie budú využívané v štrukturne orientovanom dizajne nových účiných a selektívnych inhibítordov.

### NEP inhibítory

NEP inhibítory zabraňujú nie len enzýmovej degradácii nátriuuretických peptídov, zvyšujúc tak ich biologickú aktivitu, ale tiež tvorbe vazokonstrične pôsobiacich endotelínu ET-1. Tým NEP inhibícia moduluje rovnováhu medzi cirkulujúcimi vazodilatačnými a vazokonstričnými zložkami, aj keď určitú úlohu zohrávajú i ďalšie enzymy a zložky (napr. ECE – endotelín konvertujúci enzym). U esenciálnej hypertenze NEP inhibítory zvyšujú účinok ANP čím následne dochádza k znižovaniu tlaku krvi. Napriek tomu NEP inhibitor kandoxatril má výraznejší antihypertenzný

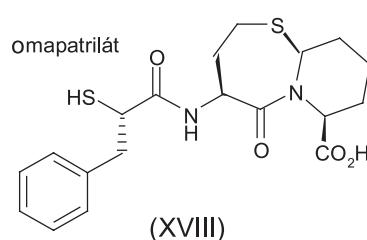
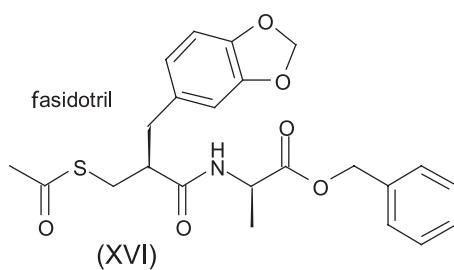
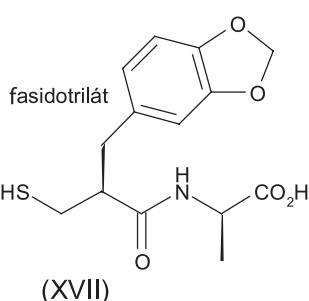
účinok skôr pri podávaní v kombinácii s ACE inhibítorm ako pri monoterapii<sup>43)</sup>. Navyše žiadne výraznejšie príaznivé účinky neboli pozorované u pacientov s miernym chronickým srdečným zlyhávaním, keď boli liečení výlučne NEP inhibítormi<sup>44)</sup>. Jedným z dôvodov môže byť široké spektrum substrátov, ktoré NEP hydrolyzuje. Takisto dôležité je spomenúť, že NEP sa stáva hlavnou cestou enzýmovej degradácie BK v prípade inhibície ACE. Hoci sú pokusy vyvinuté efektívny a nízkonákladový NEP inhibítork, hlavným trendom je príprava a použitie duálnych ACE/NEP inhibítordov. Predpokladá sa totiž, že duálne inhibítory by mohli poskytovať efektívnejší spôsob pri liečbe vysokého tlaku.

### Vazopeptidázové inhibítory

Kedže nielen ACE, ale i ďalšie metalopeptidázy príbuzné ACE, ako napr. NEP, sú zainteresované v metabolizme peptídov zúčastňujúcich sa na regulácii tlaku krvi, je už od začiatku 90. rokov dvadsiateho storočia snaha o reguláciu ACE a NEP aktivity iba jedným spoločným inhibítorm<sup>45)</sup>. Takéto kombinované ACE/NEP inhibítory sa nazývajú *vazopeptidázové inhibítory* (ang. vasopeptidase inhibitors – VPI) (obr. 1)<sup>29)</sup>.

Pôvodná idea zasiahnúť dve metalopeptidázy, ACE a NEP, s čiastočne prekrývajúcimi sa, alebo synergickými funkciemi bola aplikovaná použitím prvého VPI, fasidotriplatu (*prodrug* fasidotril), ktorý je pôvodne známy ako alatriopil (XVI, XVII). Fasidotrilát má podobnú inhibičnú aktivitu k ACE i NEP, a neskôr nasledoval vývoj ďalších VPI štruktúr, napr. sampatrilát<sup>46)</sup> a omapatrilát<sup>47)</sup> (XVIII). Doteraz je v rôznych štádiach vývoja približne 10 vazopeptidázových inhibítordov, napr. gemopatrilát, RB105/S21402 (mixanpril), RB106, BMS182657, MDL100173 (MDL100240), Z-13752A a CGS30008<sup>25, 48)</sup>.

Počiatocné klinické štúdie troch najperspektívnejších VPI inhibítordov (omapatrilát, sampatrilát a fasidotrilát) u pacientov s miernou až strednou hypertenziou potvrdili,

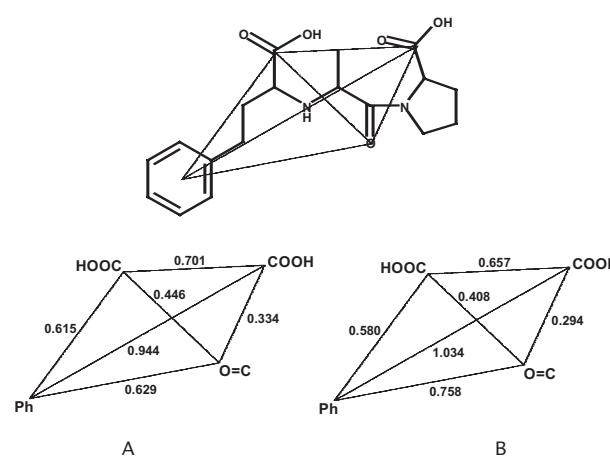


že nová skupina duálnych inhibítormov má výraznú a trvalú antihypertenznú aktivitu<sup>11)</sup>. Najpokročilejším a najviac klinicky preskúšaným VPI je omapatrilát. V rámci klinického testovania sa vo viacerých štúdiach (HOPE, IMPRESS, OVERTURE, OCTAVE) potvrdili jeho výhodnejšie vlastnosti v porovnaní s používanými antihypertenzívami, hlavne ACEI a AII antagonistami. Práve v týchto štúdiach sa zistil aj pomerne vysoký výskyt jeho najzávažnejšieho vedľajšieho nežiadúceho účinku – angioedému, kvôli ktorému americká FDA v roku 2003 zamietla jeho schválenie. Angioedém sa ako nežiadúci účinok vzácne vyskytuje (0,1–0,5%) aj pri aplikácii ACE inhibítormov. Jeho hlavným symptomom je opuchnutie, ktoré postihuje hlavne tvár, krk, pery, jazyk a hrtan. Jasné dôvody pre vznik angioedému nie sú známe, aj keď sa predpokladá, že niektoré druhy tohto nežiadúceho účinku sa môžu sprostredkovať aj zvýšenou akumuláciou koncentrácie BK. Je dôležité si uvedomiť, že BK je takisto degradovaný pôsobením NEP a synchronná inhibícia ACE a NEP môže značne znížiť proteolytickú inaktiváciu BK, čím dochádza k zvýšeniu hladiny BK v plazme a zároveň k vzrastu s BK súvisiacim rizikom výskytu angioedému. V prípade vazopeptídových inhibítormov zostáva objasniť či vyšší výskyt angioedému, v prípade klinických štúdií omapatrilátu je špecifikum pre tento inhibítorm, alebo je všeobecný vedľajší účinok aj pre ďalšie, omapatrilátu štruktúrne podobné VPI. Nedávne klinické štúdie potvrdzujú<sup>49, 50)</sup>, že VPI si zaslu-

hujú ďalšie skúmanie s cieľom získať rovnováhu medzi vazokonstrikčne a vazodilatačne pôsobiacimi cirkulujúcimi peptidovými hormónmi, s minimom vedľajších nežiadúcich účinkov.

## ZÁVER

Vývoj nových ACE inhibítormov by sa mal orientovať na tvorbu nových doménovo- selektívnych inhibítormov s výhodnejšími farmakodynamickými a farmakokinetickými parametrami v porovnaní s už dostupnými inhibítormi. Eliminácia vedľajších nežiadúcich účinkov u duálnych ACE/NEP inhibítormov by mohla viesť k zavedeniu nových terapeuticky výhodných liečiv do klinickej praxe. Významnú úlohu pri projektovaní nových ACE inhibítormov budú mať aj metódy molekulového modelovania. Na základe molekulovo-modelovacích štúdií je možné odvodiť farmakofór<sup>51)</sup> a jeho koncepciu využiť pri projektovaní nových liečiv. Farmakofór ACE inhibítormov<sup>52)</sup> sa odvodil na základe konformačného štúdia klinicky používaných aj experimentálnych ACE inhibítormov a ich aktívnych metabolitov<sup>52–54)</sup>. Konformačné štúdiu poskytlo najstabilnejšie konformácie, ktoré spolu s modelom aktívneho miesta ACE sa použili na generovanie farmakofóra. Priestorová orientácia hlavných farmakoforových skupín je pre všetky ACE inhibítory veľmi podobná, a preto sa mohol odvodiť štvorzložkový farmakofór<sup>52)</sup> (obr. 5A). Na obrázku 5B je zobrazený štvorzložkový farmakofór, ktorý sa odvodil z neskôr publikovanej 3D štruktúry komplexu lizinopril ACE<sup>9)</sup>. Obidva farmakofóry sú v dobrej zhode. Teda metodami molekulového modelovania je možné, v prípade, ak presná 3D štruktúra receptora a jeho komplexov s ligandmi nie je známa, odvodiť farmakofór, ktorý spoľahlivo reprezentuje hlavné štruktúrne a priestorové prvky potrebné na definovanie požadovanej biologickej aktivity. Jackson et al. použili koncepciu farmakofóra a známu 3D štruk-



Obr. 5. Vzdialenosť medzi farmakoforovými funkčnými skupinami ACE inhibítormov  
 A model farmakofóra odvodený z molekulovomodelovacieho štúdia; B experimentálny model, ktorý sa získal z publikovanej röntgenovej štruktúry komplexu lizinoprilu s ľudským ACE

túru ľudského homológa ACE (ACE2) na virtuálny skríning približne 3,8 milióna chemických zlúčenín z komerčných databáz<sup>55</sup>). Použitím skórovacích funkcií sa im podarilo vyselektovať 17 nových štruktúr, ktoré otestovali na základnú farmakologickú aktivitu. Šesť najaktívnejších zlúčenín inhibovalo ACE2 aktivitu v oblasti mikromólových IC<sub>50</sub> hodnôt.

Racionálne projektovanie nových štruktúr a modifikácia už existujúcich inhibítormov bude profitovať z vyriešených 3D štruktúr ACE, NEP a ACE2, ktoré umožňujú odvodenie a naprojektovanie dokonalejších farmakofórov. Detailnejšie farmakofóry aktívnych miest jednotlivých enzýmov zároveň umožnia efektívnejšie prehľadávanie veľkých farmakofór-orientovaných databáz, čím sa značne zvýšia šance na získanie nových potenciálnych inhibítormov<sup>55, 56</sup>.

## LITERATÚRA

1. Valle, B. L., Auld, D. S.: Biochemistry, 1990; 29, 5647 až 5659.
2. Spyroulias, G. A., Galanis, A. S., Pairas, G. et al.: Curr. Top. Med. Chem., 2004; 4, 403-429.
3. Eriksson, U., Danilczyk, U., Penniger, J. M.: Current Biology, 2002; 12, R745-R752.
4. Abassi, Z. A., Tate, J. E., Golombe, E., Keiser, H. R.: Hypertension, 1992; 20, 89-95.
5. Kenny, A. J., Stephanson, S. L.: FEBS Lett., 1998; 232, 1-8.
6. Holland, D. R., Hausrath, A. C., Juers, D., Mathews, B. W.: Protein Sci., 1995; 4, 1955-1965.
7. Colman, P. M., Janssonius, J. N., Matthews, B. W.: J. Mol. Biol., 1972; 70, 701-724.
8. Steitz, T. A., Ludwig, M. L., Quiocho, F. A., Lipscomb, W. N.: J. Biol. Chem., 1967; 242, 4662-4668.
9. Natesh, R., Schwager, S. L. U., Sturrock, E. D., Acharaya, K. R.: Nature, 2003; 421, 551-554.
10. Oefner, C., D'Arcy, A., Hennig, M. et al.: J. Mol. Biol., 2000; 296, 341-349.
11. Spyroulias, G. A., Cordopatis, P.: Current Enzyme Inhibition, 2005; 1, 29-42.
12. Hooper, N. M.: FEBS Lett., 1994; 354, 1-6.
13. Hubert, C., Houot, A.-M., Corvol, P., Soubrier, F.: J. Biol. Chem., 1991; 266, 15377-15383.
14. Corvol, P., Williams, T. A.: In: Cell-surface Peptidases in Health and Disease, Kenney, A. J., Boustead, C. M. (eds.): Oxford, BIOS Scientific Publishers Limited, 1997, s. 99.
15. Erdos, E. G.: Hypertension, 1990; 16, 363-370.
16. Ferrario, C. M., Chappel, M. C., Tallant, E. A., Brosnihan, K. B.: Hypertension, 1997; 30, 535-541.
17. Rousseau, A., Michaud, A., Chauvet, M. T. et al.: J. Biol. Chem., 1995; 270, 3656-3661.
18. Blais, C. Jr., Marceau, F., Rouleau, J. L., Adam, A.: Peptides, 2000; 21, 1903-1940.
19. Remko, M.: Medicínska chémia. Bratislava, SAP, 2002, s. 99.
20. Smieško, M.: Molecular Modeling Study of ACE inhibitors. Dizertačná práca (PhD.), 2002.
21. Smieško, M., Remko, M.: Pharma Journal, 2003; 13, 72-76.
22. Natesh, R., Schwager, S. L., Evans, H. R. et al.: Biochemistry, 2004; 43, 8718-8724.
23. Georgiadis, D., Cuniasse, P., Cotton, J. et al.: Biochemistry, 2004; 43, 8048-8054.
24. Vickers, C., Hales, P., Kaushik, V. et al.: J. Biol. Chem., 2002; 277, 14838-14843.
25. Molinaro, G., Rouleau, J. L., Adam, A.: Curr. Opin. Pharmacol., 2002; 2, 131-141.
26. Tipnis, S. R., Hooper, N. M., Hyde, R. et al.: J. Biol. Chem., 2000; 275, 33238-33243.
27. Towler, P., Staker, B., Prasad, S. G. et al.: J. Biol. Chem., 2004; 279, 17996-18007.
28. Turner, A. J., Hooper, N. M.: Trends Pharmacol. Sci., 2002; 23, 177-183.
29. The HYP Consortium 1995 Nature Genet., 1995; 11, 130 až 136.
30. Emoto, N., Yanagisawa, M.: J. Biol. Chem., 1995; 270, 15262-15268.
31. Roques, B. P., Noble, F., Daugé, V. et al.: Pharmacol. Rev., 1993; 45, 87-146.
32. Pham, I., El Amrani, A. I. K., Fournié-Zaluski, M. C. et al.: J. Pharmacol. Exp. Ther., 1993; 265, 1339-1347.
33. Jansen, W. M., de Zeeuw, D., van der Hem, G. K., de Jong, P. E.: Hypertension, 1989; 13, 640-646.
34. Burnett, J. C. Jr., Kao, P. C., Hu, D. C. et al.: Science, 1986; 231, 1145-1147.
35. Burnett, J. C.: J. Hypertens., 1999; 17, s37-s43.
36. Roques, B. P., Beaumont, A.: Trends Pharmacol. Sci., 1990; 11, 245-249.
37. Oefner, C., Roques, B. P., Fournié-Zaluski, M. C., Dale, G. E.: Acta Crystallogr. Biol. Crystallogr., 2004; 60, 392-396.
38. Cushman, D. W., Ondetti, M. A.: Nat. Med., 1990; 5, 1110-1113.
39. Ondetti, M. A., Rubin, B., Cushman, D. W.: Science, 1977; 196, 441-444.
40. Napoli, C., Sica, V., de Nigris, F. et al.: Am. Heart J., 2004; 148, e5.
41. Remko, M.: Metódy výskumu a vývoja liečiv. Bratislava, SAP, 1999, s. 52.
42. Leonetti, G., Cuspidi, C.: Drugs, 1995; 49, 516-535.
43. Richards, A. M., Wittert, G. A., Crozier, I. G. et al.: J. Hypertens., 1993; 11, 407-416.
44. Northridge, D. B., Newby, D. E., Rooney, E. et al.: Am. Heart J., 1999; 138, 1149-1157.
45. Trippodo, N. C., Robl, J. A., Asaad, M. M. et al.: J. Pharmacol. Exp. Ther., 1995; 275, 745-752.
46. Wallis, E. J., Ramsay, L. E., Hettiarachchi, J.: Clin. Pharmacol. Ther., 1998, 64, 439-449.
47. Weber, M.: Am. J. Hypertens., 1999, 12, 139S-147S.
48. Sagnella, G. A.: J. Renin Angiotensin Aldosterone Syst., 2002, 3, 90-95.
49. Kostis, J. B., Packer, M., Black, H. R. et al.: Am. J. Hypertens., 2004, 17, 103-111.
50. Packer, M., Calif, R. M., Konstam, M. A. et al.: Circulation, 2002; 106, 920-926.
51. Smieško, M., Remko, M.: Čes. slov. Farm., 1999; 48, 247-251.
52. Smieško, M., Remko, M.: Chem. Papers, 2002; 56, 138-143.
53. Smieško, M., Remko, M.: Chem. Papers, 2004; 58, 71-78.
54. Šramko, M., Remko, M., Garaj, V.: Struct. Chem., 2005; 16, 391-399.
55. Rella, M., Rushworth, C. A., Guy, J. L., Turner, A. J., Langer, T., Jackson, R. M.: J. Chem. Inf. Model 10 (2006) v tlači.
56. Kuster, D. J., Marshall, G. R.: J. Comput. Aided Mol. Des. 19, 609-615 (2005).

Došlo 10. 2. 2006.

Přijato ke zveřejnění 15. 3. 2006.

PharmDr. Martin Šramko  
Odbojárov 10, 832 32 Bratislava, SR  
e-mail: sramko@fpharm.uniba.sk, remko@fpharm.uniba.sk